



Proyecto CRIS de Cáncer de Próstata: Programa de Excelencia 2019

Investigador Principal: Dr. David Olmos

Centro: Centro Nacional de Investigaciones Oncológicas, Madrid

Introducción

El cáncer de próstata es el tumor más frecuente en hombres en los países desarrollados. Generalmente, la mayoría de los pacientes se diagnostican en etapas tempranas, cuando aún está localizado, y suelen curarse. No obstante, en un 5-10% de los pacientes el diagnóstico se produce cuando el tumor ya se ha extendido. Incluso entre los pacientes con el tumor localizado, existen pacientes cuyos tumores son muy agresivos y resistentes a las terapias habituales, y pueden acabar con la vida del paciente. Esto hace que cada año en España fallezcan más de 5800 hombres.

Existe una gran necesidad de poder comprender qué pacientes tienen un mayor riesgo de sufrir formas de cáncer de próstata agresivas y resistentes a los tratamientos. Hoy en día apenas hay herramientas que permitan predecir esto. Si comprendemos qué pacientes tienen un mayor riesgo, se pueden evitar tratamientos inefectivos y optar directamente por otro tipo de terapias, además de realizar un seguimiento más exhaustivo de su enfermedad. Es en este campo de estudio donde lleva años inmerso el grupo del Dr David Olmos.

Entre sus hallazgos más relevantes se encuentra que han conseguido relacionar las alteraciones (o ausencia) de algunas proteínas que reparan el ADN con el desarrollo de formas de la enfermedad mucho más agresivas. Entre estas proteínas se encuentra BRCA2, cuyas alteraciones son un factor de riesgo tanto de desarrollar cáncer de próstata como de que éste sea muy agresivo. Aún así, incluso en los pacientes con mutaciones en BRCA2 sus tumores son muy diferentes entre sí: son más o menos agresivos, responden mejor o peor a las diferentes terapias, tienen más o menos tendencia a producir metástasis... Por lo tanto, aún nos falta mucho por comprender para poder predecir cómo se van a comportar los tumores de próstata.

Un hallazgo reciente del grupo del Dr. Olmos consiste en que los errores en otra proteína llamada RB1 (relacionada con cuándo la célula decide que es un buen momento de dividirse) pueden también estar relacionadas con un peor pronóstico. De hecho, las se ha visto que en ciertos tumores de próstata muy letales aparecen con frecuencia alteraciones en los dos genes a la vez, en BRCA2 y RB1.

No obstante, no se sabe casi nada del papel de RB1 en el cáncer de próstata, por qué causa tumores más agresivos, y cómo colabora con las mutaciones en BRCA2. Mucho menos aún se sabe, por supuesto, de cómo dirigir terapias contra estas alteraciones.

El proyecto

El equipo del Dr. Olmos ha diseñado un proyecto para afrontar de manera integral el problema de las alteraciones combinadas en los genes BRCA2 y RB1:

1. Gracias a avanzados modelos de laboratorio se estudia el mecanismo biológico que hace que las dos mutaciones combinadas induzcan la aparición, crecimiento y agresividad de los tumores de próstata



2. Desarrollarán métodos para identificar de manera precoz, durante el diagnóstico, a los pacientes con esta doble alteración, para poder actuar de manera más temprana y eficaz
3. Con la ayuda de innovadoras técnicas de modificación genética, buscarán la mejor manera de frenar los efectos devastadores de la combinación de las mutaciones en BRCA2 y RB1 y desarrollar nuevos tratamientos

En resumen, el desarrollo de nuevas maneras de identificar y tratar a estos pacientes con un riesgo tan alto de morir por cáncer de próstata tiene el potencial de mejorar la vida de un gran número de pacientes.